Table 2. REE analysis of the Gondwana sandstones, ppm

Sample No	Sc	Y	La	Ce	Pr	Nd	Sm	Eu	Gd	Tb	Dy	Ho	Er	Tm	Yb	Lu	Sn	Hf	Ta	Mo	W	Ge	Be	U
151	194	106	54.59	106.02	11.68	43.06	3.98	10.49	6.80	0.96	5.29	1.02	2.98	<0.5	3.07	<0.5	3.97	4.84	1.33	1.76	2.08	1.47	2.99	2.38
188	22	32	64.34	121.33	13.90	52.08	9.30	2.23	8.49	1.14	6.29	1.18	3.38	0.56	3.46	0.52	4.36	5.33	1.75	2.13	1.85	1.69	3.81	2.63
1B	40	34	32.60	63.37	8.87	24.45	5.11	1.46	7.17	0.94	4.81	0.83	2.11	<0.5	1.48	<0.5	3.53	7.72	1.34	1.98	1.39	1.66	2.52	2.32
201	203	111	61.99	120.52	13.29	48.97	2.02	8.75	8.46	1.21	6.34	1.22	3.43	0.56	3.47	0.55	4.51	5.24	2.03	1.28	2.32	1.30	3.09	2.65
213	25	37	54.74	102.41	12.42	46.16	8.59	1.89	8.93	1.28	7.12	1.30	3.80	0.59	3.65	0.57	3.12	8.96	1.00	0.67	1.45	1.75	1.76	2.12
213A	200	137	53.38	99.99	12.26	44.13	1.99	8.20	9.00	1.22	6.75	1.27	3.52	0.55	3.42	0.53	4.14	9.43	1.42	0.59	1.20	1.79	2.58	2.20
215	9	30	32.99	59.24	7.48	26.26	1.27	5.30	5.81	0.86	4.93	0.91	2.58	<0.5	2.30	<0.5	2.54	3.72	0.80	<0.5	<0.5	0.65	0.95	1.03
216	13	25	41.61	76.28	9.31	33.33	1.66	6.66	6.27	0.87	4.91	0.88	2.51	<0.5	2.46	<0.5	3.12	5.26	1.33	0.55	0.83	1.25	1.56	1.83
221	14	37	41.38	79.31	10.62	38.47	1.96	7.70	9.55	1.34	7.23	1.24	3.38	0.50	3.04	<0.5	1.90	8.05	0.64	0.72	<0.5	1.63	1.00	2.27
222	13	26	47.97	87.46	10.34	38.08	6.88	1.50	6.34	0.88	4.92	0.90	2.65	<0.5	2.65	<0.5	2.26	6.25	1.15	<0.5	1.79	0.92	1.91	1.81
222A	215	109	56.33	107.35	11.85	43.98	1.85	7.99	6.89	0.99	5.33	1.03	3.02	0.51	3.15	<0.5	5.24	4.94	1.29	1.67	1.69	1.46	3.02	2.38
223	12	32	59.13	106.68	12.72	45.35	2.17	8.71	8.56	1.17	6.51	1.18	3.35	0.53	3.19	<0.5	3.45	4.35	1.47	<0.5	1.56	0.79	3.02	2.76
227	24	33	71.33	135.26	15.27	56.49	9.84	2.13	8.96	1.22	6.75	1.27	3.84	0.62	3.81	0.61	4.41	5.92	1.80	1.73	2.13	1.70	3.82	2.94
238	16	51	107.8	203.08	22.82	83.58	15.5	3.37	12.8	1.67	9.41	1.80	5.59	0.98	6.34	1.04	5.29	24.96	2.11	<0.5	1.05	0.58	3.63	4.53
24	23	20	4.58	0.70	4.03	0.76	2.27	<0.5	2.23	<0.5														
241	20	29	41.48	76.91	9.27	33.90	6.43	1.46	6.48	0.93	5.23	0.94	2.80	<0.5	2.84	<0.5	3.12	7.63	1.11	3.57	1.14	1.43	1.61	1.95
241A	182	139	49.73	92.25	10.93	41.06	1.77	7.49	7.72	1.11	6.14	1.16	3.37	0.55	3.30	0.51	2.84	8.07	1.18	4.68	1.06	1.49	2.23	2.31
254	13	16	67.92	123.38	13.99	50.86	1.92	9.23	6.71	0.75	3.41	0.57	1.44	<0.5	1.33	<0.5	2.31	4.38	0.32	<0.5	0.87	0.84	0.49	2.66
255	18	25	49.16	95.08	9.96	35.87	6.80	1.47	6.15	0.87	4.92	0.96	2.88	<0.5	3.11	<0.5	3.60	3.54	0.89	5.64	1.71	1.39	3.01	2.37
277	22	28	64.10	127.72	13.51	50.19	8.92	2.02	8.50	1.16	6.10	1.04	3.31	0.54	3.32	0.51	4.45	5.05	1.97	1.74	2.05	1.70	3.53	2.54
324	19	28	62.08	113.86	13.12	47.67	2.23	9.10	7.93	1.06	5.77	1.08	3.24	0.55	3.35	0.55	1.96	18.90	1.87	0.60	0.63	2.26	1.28	2.56
82 C	23	30	55.73	105.70	12.00	44.71	8.10	1.93	7.69	1.08	5.84	1.07	3.06	0.50	3.10	<0.5	3.77	5.24	1.62	2.69	1.58	1.50	3.39	2.68
82(B)	12	27	55.73	105.70	12.00	44.71	1.93	8.10	7.69	1.08	5.84	1.07	3.06	0.50	3.10	<0.5	3.77	5.24	1.62	2.69	1.58	1.50	3.39	2.68
83	24	22	54.70	103.17	11.53	44.10	7.57	1.67	6.62	0.88	4.82	0.92	2.73	<0.5	2.91	<0.5	3.95	5.18	1.63	2.69	1.65	1.77	3.90	2.67
G-1	15	29	53.89	98.24	12.38	40.41	6.95	1.79	7.01	1.17	6.89	1.27	3.71	0.63	3.79	0.61								
G-4	11	18	30.08	54.30	6.32	22.56	3.57	0.84	3.70	0.62	3.70	0.65	1.97	<0.5	2.04	<0.5	1.65	<0.5	<0.2	0.72	0.78	4.63	3.56	1.27
GT-1	11	24	43.99	84.76	11.45	42.59	182.5	245.4	9.55	1.95	6.63	1.15	2.80	<0.5	2.82	<0.5	7.74	14.7	1.23	<0.5	1.21	1.04	0.52	1.85
GT-2	25	150	83.26	166.93	23.83	62.44	16.71	6.44	37.91	6.41	33.59	5.11	11.45	1.44	6.77	0.93								
L-105	30	41	151.1	274.64	32.01	113.3	17.82	4.06	12.77	1.79	9.68	1.74	5.22	0.92	5.59	0.89								
L-35	20	32	64.27	119.75	13.86	48.20	7.91	2.02	7.25	1.15	6.46	1.15	3.32	0.56	3.27	0.51								
L-37	18	31	69.04	126.46	14.95	51.78	8.40	2.07	7.70	1.15	6.56	1.17	3.43	0.57	3.36	0.53								
L-38	10	13	22.83	41.17	5.17	17.12	2.89	0.69	2.70	<0.5	2.17	<0.5	1.22	<0.5	1.24	<0.5								
L-46	13	24	49.53	88.97	10.94	37.15	6.07	1.51	5.52	0.81	4.63	0.83	2.42	<0.5	2.46	<0.5								